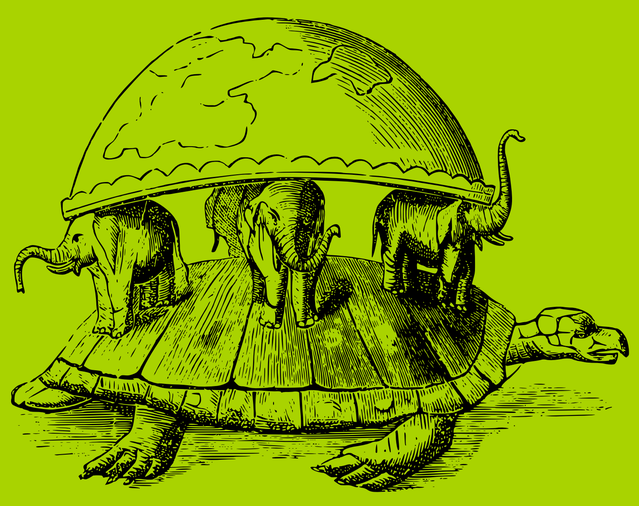
Seleccionando Priores en Inferencia Bayesiana:

Un ejemplo en la superfamilia Testudinoidea (Criptodira:Testudines)

R-Alarcon V. & Miranda-Esquivel D.M.*
*dmiranda@correo.uis.edu.co



La inferencia Bayesiana depende fuertemente de la selección de priores, los cuales no siempre son conocidos o son asumidos por 'Intuisión'. Dado que la selección incorrecta de priores podría llevar a respuestas erróneas, **nuestro objetivo fue determinar la combinación de priores que mejor describe los datos para la reconstrucción filogenética de la super familia Testudinoidea.**

Conclusión

La nferencia Bayesiana depende fuertemente de la selección de probabilidades *prior*, los cuales no siempre son conocidos o son asumidos por 'Intuisión'. Dado que la selección incorrecta de priores podría llevar a respuestas erróneas

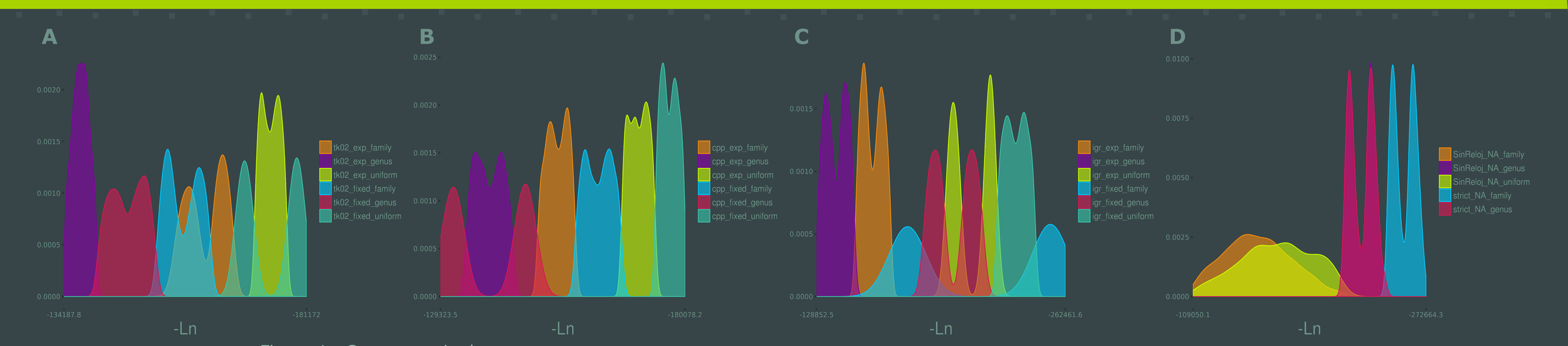


Figura 1. Convergencia de cadenas para cada esquma de probabilidades prior. A. Gurpo de corridas para reloj relajado tipo TK02. B. Grupo de corridas para relój relajado tipo CPP. C. Grupo de corridas para reloj estricto y sin reloj.

Figura 2 Correlaciones de varibles y Factor de contenido de información. A. Hla bla bla bla bla bla bla bla bla bka bla bal abka bla bak abk abka bja bak ba

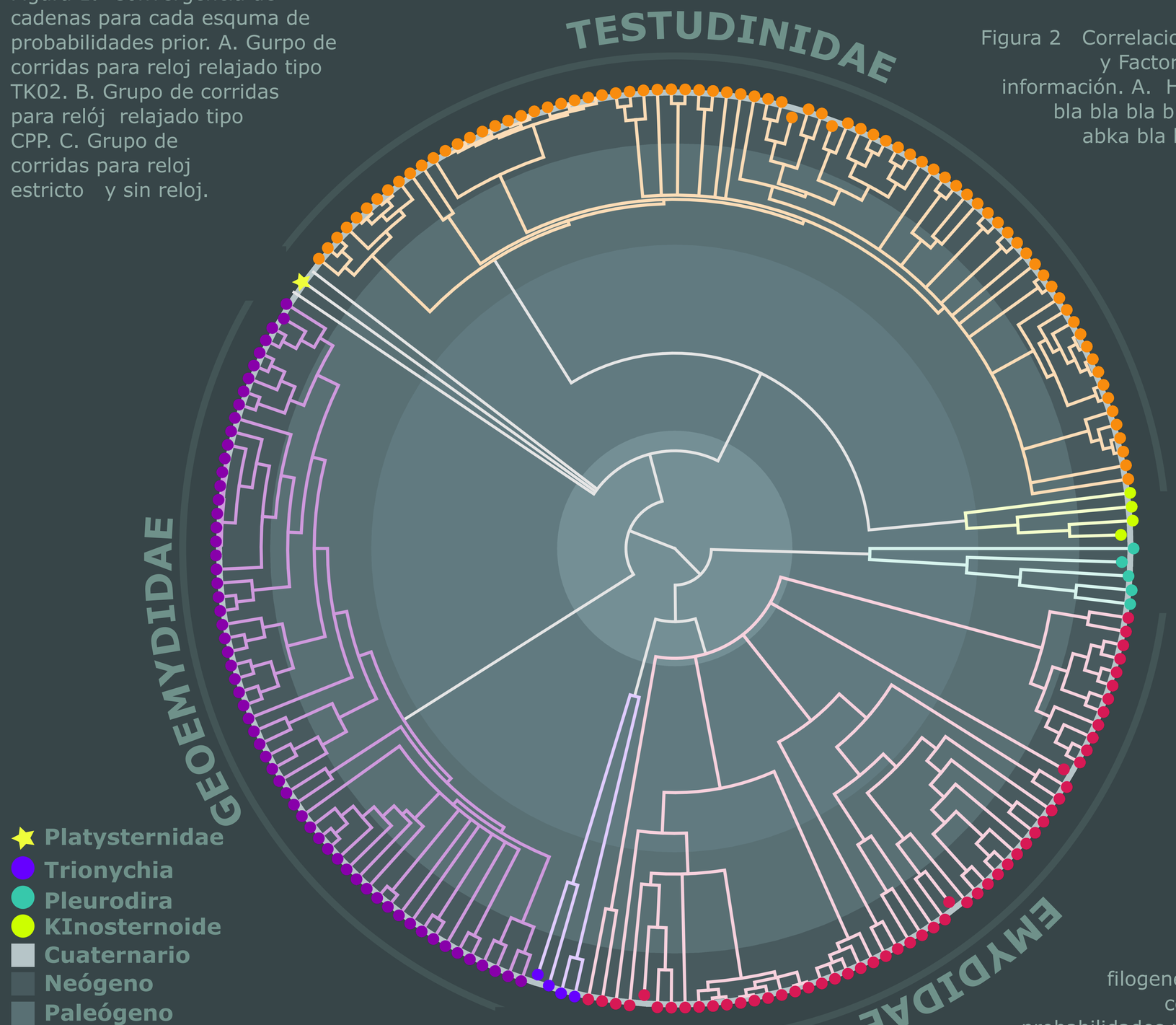


Figura 3. Árbol filogenético reconstruido con el esquema de probabilidades prior seleccionado.

¿Cómo Se Hizo?

207 Especies
47 Fósiles
8 Genes
4 Mitoc./4 Nucl.

Prior de Reloj:
Sin Reloj
Reloj Estricto
*Reloj Relajado
C/u a vacio

*Reloj Relajado
TK02 : Exp / Fija
IGR: Exp / Fija
CPP: Exp / Fija

Prior de Tolología:
Uniforme
Constreñida a Familia
Contreñida a Género

MrBayes v 3.1.2
Cipres v 3.3

200 millones de gen.
2 / 4 & 6 Cadenas
x esquema
temp 0.2
SSR > 200
SD < 0.001